

Deutsche Akkreditierungsstelle

Anlage zur Akkreditierungsurkunde D-ML-18383-04-01 nach DIN EN ISO 15189:2024

Gültig ab: 23.10.2025Ausstellungsdatum: 23.10.2025

Diese Urkundenanlage ist Bestandteil der Akkreditierungsurkunde D-ML-18383-04-00.

Inhaber der Akkreditierungsurkunde:

Universitätsklinikum Essen Hufelandstraße 55, 45147 Essen

mit dem Standort

Universitätsklinikum Essen Institut für Humangenetik Virchowstraße 171, 45147 Essen

Das Medizinische Laboratorium erfüllt die Anforderungen gemäß DIN EN ISO 15189:2024, um die in dieser Anlage aufgeführten Konformitätsbewertungstätigkeiten durchzuführen. Das Medizinische Laboratorium erfüllt gegebenenfalls zusätzliche gesetzliche und normative Anforderungen, einschließlich solcher in relevanten sektoralen Programmen, sofern diese nachfolgend ausdrücklich bestätigt werden.

Die Anforderungen an das Managementsystem in der DIN EN ISO 15189 sind in einer für Medizinische Laboratorien relevanten Sprache verfasst und stehen insgesamt in Übereinstimmung mit den Prinzipien der DIN EN ISO 9001.

Diese Urkundenanlage wurde ausgestellt durch die Deutsche Akkreditierungsstelle GmbH und ist digital gesiegelt. Sie gilt nur zusammen mit der schriftlich erteilten Urkunde und gibt den Stand zum Zeitpunkt des Ausstellungsdatums wieder. Der jeweils aktuelle Stand der gültigen und überwachten Akkreditierung ist der Datenbank akkreditierter Stellen der Deutschen Akkreditierungsstelle zu entnehmen (www.dakks.de)



Untersuchungen im Bereich:

Medizinische Laboratoriumsdiagnostik

Untersuchungsgebiete:

Humangenetik (Molekulare Humangenetik) Humangenetik (Zytogenetik)

Flexibler Akkreditierungsbereich:

Dem Medizinischen Laboratorium ist innerhalb der gekennzeichneten Untersuchungsbereiche, ohne dass es einer vorherigen Information und Zustimmung der DAkkS bedarf,

[Flex C] die Modifizierung sowie Weiter- und Neuentwicklung von Untersuchungsverfahren gestattet. Die aufgeführten Untersuchungsverfahren sind beispielhaft. Das Medizinische Laboratorium verfügt über eine aktuelle Liste aller Untersuchungsverfahren im flexiblen Akkreditierungsbereich. Die Liste ist öffentlich verfügbar auf der Webpräsenz des Medizinischen Laboratoriums.



Untersuchungsgebiet: Humangenetik (Molekulare Humangenetik)

Untersuchungsart:

Molekularbiologische Untersuchungen [Flex C]

	Molekularbiologische Untersuchungen				
Analyt (Messgröße)	Untersuchungsmaterial (Eingangsmaterial)	Untersuchungstechnik			
Gendosisanalyse	DNA, Blut, Fibroblasten, Gewebeproben°; DNA	Real-Time-PCR			
Gendosisanalyse (<i>BE3A, SHOX</i>)	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	MLPA			
Genet. Veränderung bei Tumorerkrankung: Analyse auf Verlust eines Chromosoms 3	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR, Fragmentlängenanalyse, MLPA			
Genetische Veränderung bei Lungenfibrose	DNA, Blut; DNA	SureSelect Panel, Agilent, Sequencing-by-synthesis, SeqPilot (JSI)			
Genet. Veränderung bei Tumorerkrankung: BAP1, GNAQ, GNA11, SF3B1, EIF1AX, CYSLTR2, TP53, PLCB4, VHL, NRAS, BRAF, TERT	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	SureSelect Panel Sequenzierung (Illumina), SeqPilot (JSI)			
Genetische Veränderung bei Tumorerkrankung: <i>GNAQ/GNA11</i>	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR, Sangersequenzierung			
Genetische Veränderung bei Tumorerkrankung: <i>RB1</i> -Gen	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	KAPA -Panel, Agilent, Sequence-by- synthesis, SeqPilot (JSI), Methylierungsanalyse			
Genetische Veränderung bei Tumorerkrankung: RNA-Analyse zur Bestimmung der Funktion von Genmutationen	RNA, Blut, Gewebeproben°; RNA	RT-PCR, Sangersequenzierung, Fragmentlängenanalyse			
Genetische Veränderung bei Tumorerkrankung: vergleichende Genotypisierung von Mikrosatellitenmarkern im Bereich des <i>RB1</i> -Gen	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR, Fragmentlängenanalyse			
Genotypisierung an multiplen Loci (Monozygotie; Ausschluss mütterlicher Kontamination)	DNA, Blut, Chorionzotten und andere Gewebeproben°; DNA	PCR, Fragmentlängenanalyse			
Imprintingerkrankung: Gendosisund Methylierungsveränderungen (ICR1, ICR2) in 11p15; (<i>MEG3</i>) in 14p32; (GRB10, MEST) in 7p12 bzw. 7g32	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	Methylierungsspezifische MLPA			



Analyt (Messgröße)	Untersuchungsmaterial (Eingangsmaterial)	Untersuchungstechnik
Imprintingerkrankung: Gendosis-	DNA, Blut, Chorionzotten und	Methylierungsspezifische MLPA
und Methylierungsveränderun-gen	andere Gewebeproben°; DNA	
(<i>SNRPN, MAGEL2</i>) in 15q11q13		
Imprintingerkrankung:	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR, Sangersequenzierung
Mutationsanalyse (CDKN1C)		
Chromosom 11p15.5; (UBE3A)		
Chromosom15q11.2		
Imprintingerkrankung:	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR, Sangersequenzierung
Mutationsanalyse und		
Identifikation des parentalen Allels		
(MAGEL2) Chromosom 15q12		
Imprintingerkrankung:	DNA, Blut, Chorionzotten und	PCR, Fragmentlängenanalyse
Segregationsanalyse	andere Gewebeproben°; DNA	
Chromosom 15		
Imprintingerkrankung:	DNA, Blut, Chorionzotten und	PCR, Fragmentlängenanalyse
Segregationsanalyse	andere Gewebeproben°; DNA	
Chromosom 7, 11, 14		
Panel-Analyse: Angelman-Syndrom	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	Twist Comprehensive Exome,
Differentialdiagnosen (AS DD)		Sequencing-by-synthesis, varvis
Panel-Analyse: Cohesinopathy-core	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridization-based target
		enrichment, Sequencing-by-
		synthesis, SNV, varivs
Panel-Analyse: Hörstörungen	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridzation-based target
(Hearing impairment)		enrichment, Sequencing-by-
,		synthesis, SNV, varvis
Panel-Analyse:	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridization-based target
Intelligenzminderung	, , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	enrichment, Sequencing-by-
		synthesis, SNV, varvis
Panel-Analyse: Kleinwuchs	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridization-based target
	, , , ,	enrichment, Sequencing-by-
		synthesis, SNV, varvis
Panel-Analyse: Prader-Willi-	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridization-based target
Syndrom - Differentialdiagnosen	Zin, bid, demeseprosen, biv	enrichment, Sequencing-by-
inkl. Schaaf-Yang-Syndrom (PWS		synthesis, SNV, varvis
SHFYNG DD)		7,(5,5), 5,77, 741, 715
Panel-Analyse: Klinisches Exom	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridzation-based target
(Clinical Exome)	, 11, 11 112611, 1101	enrichment, Sequencing-by-
,		synthesis, SNV, varvis



Analyt (Messgröße)	Untersuchungsmaterial (Eingangsmaterial)	Untersuchungstechnik
Whole Exome Sequenzierung (WES)	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	hybridization-based target enrichment, Sequencing-by- synthesis, varvis
Whole Genome Sequenzierung (WGS)	DNA, Blut, Gewebeproben°; DNA	PCR-free library prep, Sequencing- by-synthesis, Emedgene

[°] Die Proben werden vom Labor ohne vorherige histologische Beurteilung bearbeitet und analysiert.

Untersuchungsgebiet: Humangenetik (Zytogenetik)

Untersuchungsart:

Chromosomenanalyse [Flex C]

Analyt (Messgröße)	Untersuchungsmaterial (Eingangsmaterial)	Untersuchungstechnik
angeborener Chromosomensatz	Blut, Gewebeproben°	Chromosomenbänderungs- analyse
angeborener Chromosomensatz	Blut, Gewebeproben°	Chromosomenanalyse durch Fluoreszenz-in situ-Hybridisierung (FISH)
angeborener Chromosomensatz	Blut, Gewebeproben°; DNA	Genomweite Dosisanalyse durch SNP-Array-Hybridisierung

[°] Die Proben werden vom Labor ohne vorherige histologische Beurteilung bearbeitet und analysiert.